Изпълнявай в този ред, моля.

1. В гитхъб репозиторито създай подфолдер \datasets

2. После съдай два под фолдера

- PlantPathology

- MNISTFashion

3. В двата файла свали данните

4. Main4 го направи main5

5. В main5 смени ReLU и Softmax да са от Keras. Пробвай дали работи с тия данни дето са сега по отделно с ReLU и с Softmax.

6. Направи да чете MNIST Fashion

7. Пробвай дали работи с тия MNIST Fashion, по отделно с ReLU и с Softmax.

8. Изясни си как се смята score в Kagge <https://www.kaggle.com/c/plant-pathology-2020-fgvc7/leaderboard>

9. Направи смятане на Score в main5

10. Пробвай ReLU и с Softmax и виж Score колко е